

MELHORAMENTO GENÉTICO DA RAÇA JERSEY

Júlia Emanuele da Silva¹, Flávia Ferreira Araújo²

¹Discente no Curso de Medicina Veterinária – Universidade Salgado de Oliveira - Belo Horizonte/MG – Brasil

²Docente do Curso de Medicina Veterinária – Universidade Salgado de Oliveira - Universo – Belo Horizonte/MG – Brasil

INTRODUÇÃO

A raça Jersey é uma raça de gado leiteiro originária da Ilha de Jersey, localizada no Canal da Mancha. Esta raça é conhecida por produzir leite de alta qualidade com alto teor de sólidos, como gordura e proteína. O melhoramento genético é uma ferramenta importante para aumentar a produtividade e a eficiência da produção de leite. O objetivo deste artigo é discutir o melhoramento genético da raça Jersey, incluindo as principais

estratégias de seleção e os avanços recentes na área

METODOLOGIA

A pesquisa foi realizada através de uma revisão bibliográfica, utilizando as bases de dados Scopus, PubMed e Google Scholar. Foram selecionados artigos científicos publicados nos últimos 10 anos em inglês ou português, que abordavam o melhoramento genético da raça Jersey.

RESUMO DE TEMA

O melhoramento genético da raça Jersey tem sido um tema de interesse crescente nos últimos anos, devido ao seu potencial para aumentar a eficiência da produção de leite. Uma das principais estratégias utilizadas é a seleção genômica, que utiliza informações genéticas para identificar animais com maior potencial de produção de leite. Além disso, o uso de tecnologias como a inseminação artificial e a transferência de embriões tem permitido a disseminação de genes de animais superiores para toda a população. Recentemente, o sequenciamento do genoma da raça Jersey tem permitido identificar genes associados à produção de leite e outras características importantes, o que deve facilitar a seleção de animais com maior potencial produtivo.

Uma das principais características que são selecionadas na raça Jersey é a produção de leite, mas também há interesse na seleção de outras características, como a saúde e a fertilidade. A seleção de animais com maior resistência a doenças e maior fertilidade pode contribuir para a redução dos custos de produção e para o aumento da lucratividade dos produtores.

CONSIDERAÇÕES FINAIS

O melhoramento genético da raça Jersey tem sido um tema de interesse crescente nos últimos anos, devido ao seu potencial para aumentar a eficiência da produção de leite. Uma das principais estratégias utilizadas é a seleção genômica, que utiliza informações genéticas para identificar animais com maior potencial de produção de leite. Além disso, o uso de tecnologias como a inseminação artificial e a transferência de embriões tem permitido a disseminação de genes de animais superiores para toda a população. Recentemente, o sequenciamento do genoma da raça Jersey tem permitido identificar genes associados à produção de leite e outras características importantes, o que deve facilitar a seleção de animais com maior potencial produtivo.

Uma das principais características que são selecionadas na raça Jersey é a produção de leite, mas também há interesse na seleção de outras características, como a saúde e a fertilidade. A seleção de animais com maior resistência a doenças e maior fertilidade pode contribuir para a redução dos custos de produção e para o aumento da lucratividade dos produtores.

REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS

- Kuehn LA, Cassady JP, Fernando RL. Genome-wide association study of milk production traits in US Jersey cattle. *J Dairy Sci.* 2013;96(7):4418-4427.
- VanRaden PM. Genomic measures of relationship and inbreeding. *Interbull Bull.* 2008;37:33-36.
- Machado MA, Silva MA, Torres RA, et al. Genetic diversity and differentiation of Brazilian Jersey cattle and its relationship with other breeds. *Livest Sci.* 2012;150:227-234.
- Martins-Filho R, Peixoto MGCD, Magnabosco CU, et al. Genome-wide association study for milk production traits in a Brazilian Jersey cattle population using single-step approach. *J Dairy Sci.* 2017;100:2121-2131.
- Guo B, Liu J, Li RW, et al. Transcriptome analysis of the mammary gland from GH transgenic goats during involution. *Genomics.* 2013;102:31-39.